

Nom :
Prénom :

# ASWS – Apprentissage Symbolique et Web Sémantique

Examen répartie – 1ère partie du 4 nov 2015

partie Web Sémantique

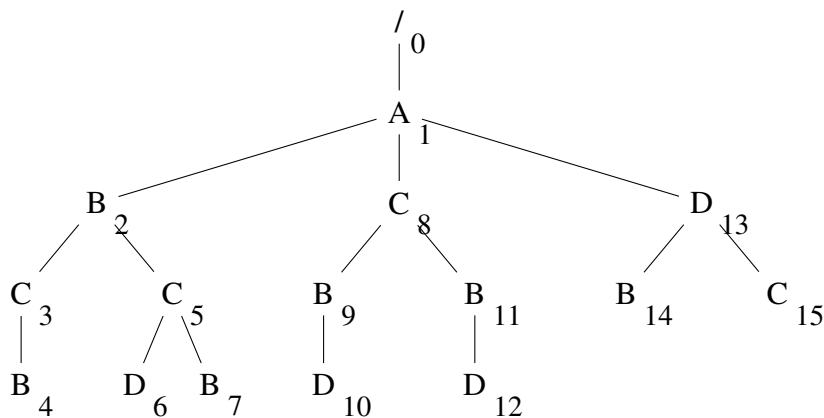
**CORRIGÉ**

Documents autorisés

Les téléphones mobiles doivent être éteints et rangés dans les sacs. Le barème sur 20 points (10 questions) n'a qu'une valeur indicative.

## 1 XML/XPath (3 pts)

Soit donné l'arbre XML suivant où chaque noeud est identifié par un attribut @id qui correspond à sa position dans l'ordre du document. L'identifiant de la racine est égal à 0, son élément fils de type A a l'identifiant 1 etc.:



Le résultat d'une expression XPath est une liste de noeuds DOM triés dans l'ordre du document et sans doublons. Par exemple, l'expression XPath `/descendant::B/following-sibling::*[1]/@id` retourne les identifiants 8, 11, 13, 15.

### Question 1 (1 point)

Donnez pour chaque expression XPath 2.0 ci-dessous la liste des identifiants des noeuds retournés.

**Réponse :**

`/descendant::B/following-sibling::*[1]/@id`

`/descendant::*[not(child::*[2])]/@id`

`//(* except C)/B/@id`

`/(descendant::*[not(child::*)] except descendant::*[following::*])`



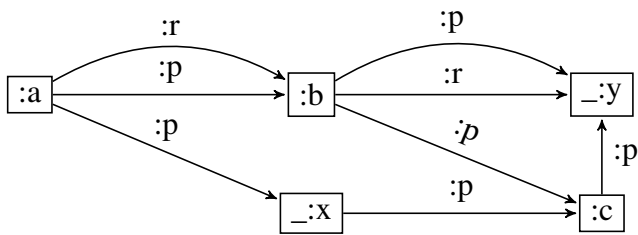
- /descendant::\*/following::\*/@id oui  non
- /following::\*/preceding::\*/following::\*/@id oui  non

L'expression absolue /following::\*/@id retourne toujours l'ensemble vide (comme /preceding::\*/@id)

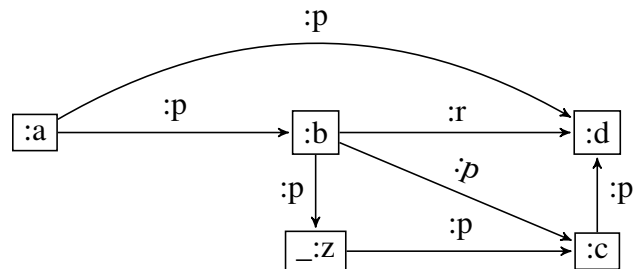
## 2 Graphes RDF (5 pts)

Soit les deux graphes RDF  $G1$  et  $G2$  suivants:

$G1$ :



$G2$ :



On suppose que les noeuds et les propriétés appartiennent à l'espace de nom `http://exemple.org/`. Chaque noeud est étiqueté par son identifiant ou par une lettre précédée par '\_' s'il s'agit d'un noeud blanc. Les arcs sont étiquetés par les types des propriétés. *La propriété `:p` est transitive.*

### Question 3 (1 point)

Donnez l'expression Turtle qui correspond au graphe  $G1$ .

Réponse :

### Solution:

```

@prefix : <http://exemple.org/> .
:a :r :b ; :p :b ; :p [ :p :c ] .
:b :p _:y ; :r _:y ; :p :c .
:c :p _:y .

```

ou

```
@prefix : <http://exemple.org/> .
:a :r :b ; :p :b , [ :p :c ] .
:b :p _:y , :c ; :r _:y .
:c :p _:y .
```

**Question 4** (2 points)

Donnez les formes normales  $nf(G1)$  et  $nf(G2)$  en format Turtle. Attention, la propriété `:p` est transitive.

**Réponse :**

Expression Turtle  $nf(G1)$  :

Expression Turtle  $nf(G2)$  :

**Solution:**

Expression Turtle  $nf(G1)$  :

```
@prefix : <http://exemple.org/> .
:a :r :b ; :p :b, :c, _:y .
:b :r _:y; :p :c, _:y .
:c :p _:y .
```

Expression Turtle  $nf(G2)$  :

```
@prefix : <http://exemple.org/> .
:a :r :b ; :p :b, _:z, :c, :d .
```

```

:b :r :d ; :p      _:z, :c, :d .
_:z           :p      :c, :d .
:c           :p      :d .

```

**Question 5 (2 points)**

Est-ce que  $G1 \models G2$  et/ou  $G2 \models G1$  ? Justifiez votre réponse.

**Réponse :**

$G1 \models G2$

$G2 \models G1$

**Solution:**

$G1 \models G2$  : non; il n'y a pas de mapping  $m$  dans  $G2$  tel que  $(: b : pm(_ : z)), (m(_ : z) : p : c)$  dans  $G1$

$G2 \models G1$  : le triplet  $(: a : r : b)$  de  $G1$  n'existe pas dans  $G2$ .

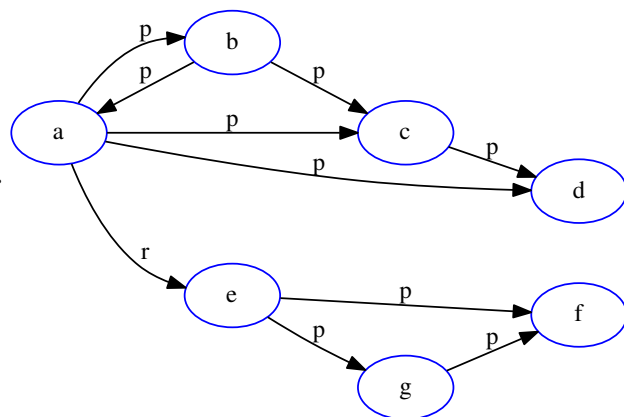
**3 SPARQL (5 pts)**

Soit le graphe dirigé RDF/S *graphe.ttl*:

```

@prefix : <http://exemple.org/> .
:a :p :b, :c, :d; :r :e .
:b :p :a, :c .
:c :p :d .
:e :p :f, :g .
:g :p :f .

```



**Question 6** (5 points)

Donnez les requêtes SPARQL suivantes sur le graphe RDF/S *graphe.ttl*. Vous n'êtes pas obligé de spécifier les espaces de nom utilisés ni le graphe interrogé (expressions SELECT... WHERE ...).

1. Les couples de noeuds connectés par une séquence de propriétés :p de longueur  $\geq 2$ .

**Réponse :**

**Solution:**

```
PREFIX : <http://exemple.org/>
SELECT DISTINCT ?x ?y
FROM <graphe2.ttl >
WHERE { ?x :p/:p+ ?y . }
ORDER BY ?x ?y
```

2. Les couples de noeuds connectés par aucun chemin qui contient la propriété :r.

**Réponse :**

**Solution:**

```
PREFIX : <http://exemple.org/>
SELECT DISTINCT ?x ?y
FROM <graphe2.ttl >
WHERE {{ ?x :p+ ?y } MINUS { ?x (:p*/:r+/(:p*/:r*)) ?y . }}
```

```
ORDER BY ?x ?y
```

3. Tous les noeuds du graphe.

**Réponse :**

**Solution:**

```
PREFIX : <http://exemple.org/>  
SELECT DISTINCT ?x  
FROM <graphe2.ttl >  
WHERE {{ ?x ?p ?y . } UNION { ?y ?p ?x . }}
```

4. Les noeuds sans arc sortant (degré de sortie = 0) en utilisant l'opération MINUS (sans utiliser OPTIONAL/bound()).

**Réponse :**

**Solution:**

```
PREFIX : <http://exemple.org/>  
SELECT DISTINCT ?y  
FROM <graphe2.ttl >  
WHERE {{ ?x ?p ?y . } MINUS { ?y ?q ?z . }}
```

## 4 Règles (2 pts)

**Question 7** (2 points)

Définissez un ensemble de *règles forward* qui génèrent un triplet :a :s :b entre tous les couples de

noeuds  $(:a, :b)$  reliés par un chemin qui contient la propriété  $:r$ .

**Réponse :**

**Solution:**

`@prefix : <http://exemple.org/> .`

`[trans1: (?x :r ?y) -> (?x :s ?y)]`

`[trans2: (?x :p ?y)(?y :s ?z) -> (?x :s ?z)]`

`[trans3: (?x :s ?y)(?y :p ?z) -> (?x :s ?z)]`



## 5 Optimisation (5 pts)

On suppose qu'on a chargé un graphe RDF dans une base TDB Jena (tdbloader). Voici un extrait des statistiques de la base:

```
( stats
  ( meta
    ( timestamp "2015-11-01T19:22:45.874+01:00" )
    ( run@ "2015/11/01_19:22:45_CET" )
    ( count 40177 )
    ((VAR <rdf:type> <bsbm:Review>) 1000)
    ((VAR <rdf:type> <bsbm:ProductFeature>) 999)
    ((VAR <rdf:type> <bsbm:Product>) 100)
    ((VAR <rdf:type> <bsbm:Producer>) 3)
    (<bsbm:productFeature> 2375)
    (<bsbm:reviewFor> 1000)
    (<bsbm:productProp> 100)
    (<bsbm:producer> 100)
    (<bsbm:country> 54)
    (<bsbm:rating> 717)
    ( other 0 ))
```

Il y a 1000 instances de la classe <bsbm:Review>, 2375 triplets avec la propriété <bsbm:productFeature> etc...

On veut exécuter la requête SPARQL suivante:

```
PREFIX rdf: <http://www.w3.org/1999/02/22-rdf-syntax-ns#>
PREFIX rdfs: <http://www.w3.org/2000/01/rdf-schema#>
PREFIX bsbm: <http://www4.wiwiw.fu-berlin.de/bizer/bsbm/v01/instances/bsbm/>

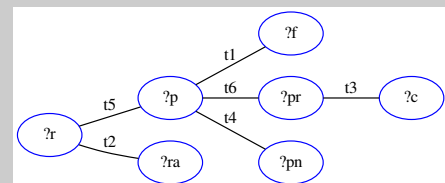
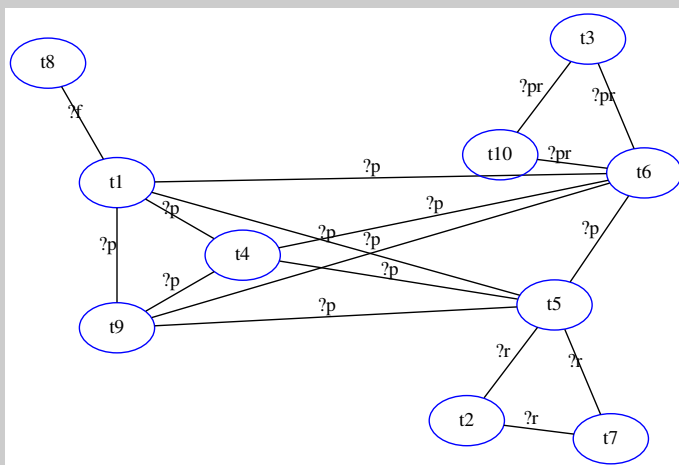
SELECT (COUNT(?r) as ?countreview)
WHERE {
  ?p bsbm:productFeature ?f .
  ?r bsbm:rating ?ra .
  ?pr bsbm:country ?c .
  ?p bsbm:productProp ?pn .
  ?r bsbm:reviewFor ?p .
  ?p bsbm:producer ?pr .
  ?r rdf:type bsbm:Review .
  ?f rdf:type bsbm:ProductFeature .
  ?p rdf:type bsbm:Product .
  ?pr rdf:type bsbm:Producer .
}
```

### Question 8 (2 points)

Dessinez le graphe de jointure et le graphe de variables de la requête précédente. Vous pouvez numéroter les triplets dans l'ordre de leur apparition dans la requête ( $t_1, t_2, \dots, t_{10}$ ).

Réponse :

Solution:



**Question 9** (1 point)

Expliquez pourquoi l'évaluation de la requête prend beaucoup de temps si on n'applique les filtres dans l'ordre d'apparition dans la clause WHERE (pas d'optimisation, option `none .opt`).

**Réponse :**

**Solution:**

Voici l'ordre d'évaluation de jointures qu'on obtient en utilisant la stratégie **fixed.opt** (heuristiques sans statistiques):

```
( ?r rdf:type <bsbm:Review > )  
( ?r <bsbm:rating > ?rating )  
( ?r <bsbm:reviewFor > ?p )  
( ?p rdf:type <bsbm:Product > )  
( ?p <bsbm:productProp > ?pn )  
( ?p <bsbm:productFeature > ?f )  
( ?f rdf:type <bsbm:ProductFeature > )  
( ?p <bsbm:producer > ?pr )  
( ?pr rdf:type <bsbm:Producer > )  
( ?pr <bsbm:country > ?c )
```

**Question 10** (2 points)

Est-ce que ce plan est optimal ? Expliquez comment il pourrait être amélioré en utilisant les statistiques (**stats.opt**).

**Réponse :**

**Solution:**

```
(?pr rdf:type <bsbm:Producer >)  
(?pr <bsbm:country > ?c)  
(?p <bsbm:producer > ?pr)  
(?p rdf:type <bsbm:Product >)  
(?p <bsbm:productProp > ?pn)  
(?p <bsbm:productFeature > ?f)  
(?f rdf:type <bsbm:ProductFeature >)  
(?r <bsbm:reviewFor > ?p)  
(?r rdf:type <bsbm:Review >)  
(?r <bsbm:rating > ?rating)
```